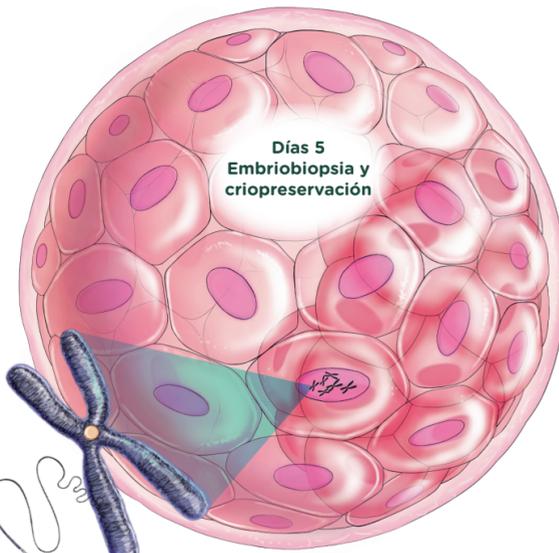
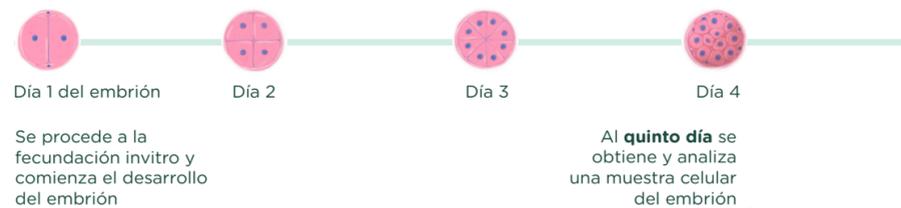


EL ANÁLISIS GENÉTICO MÁS PRECISO QUE AUMENTA EL NÚMERO DE EMBRIONES EUPLOIDES INFORMADOS

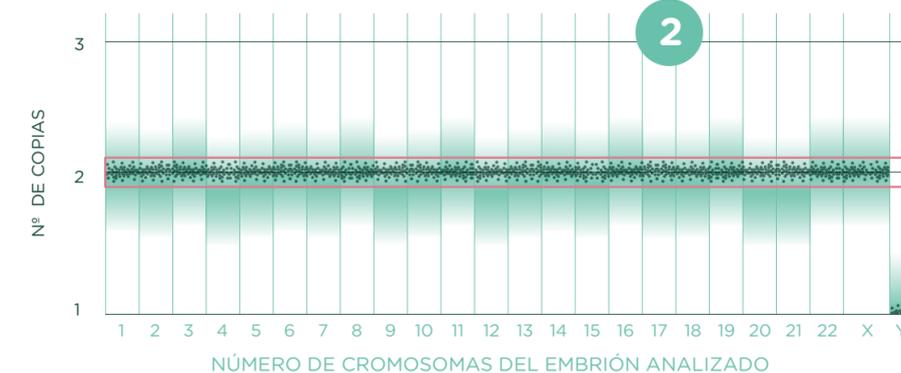
A diferencia de la mayoría de los otros métodos, PGT[A]Seq combina dos partes distintas de información para proporcionar una precisión sin igual. La tecnología PGT[A]Seq es la prueba más precisa de su clase, con una validez clínica demostrada.

CUÁNDO SE REALIZA LA PRUEBA



NGS (La cantidad de ADN medida en miles de puntos individuales)

Juno utiliza la secuenciación de última generación para medir la cantidad de ADN en miles de sitios en cada cromosoma. Esto permite calcular el número de copias del cromosoma con gran precisión.



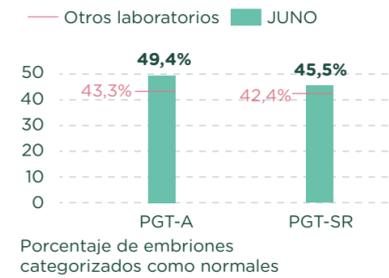
NGS + SNPs

Juntos, la medición de la cantidad de ADN y el análisis de la secuencia de ADN aumentan en gran medida la precisión de PGT [A] Seq

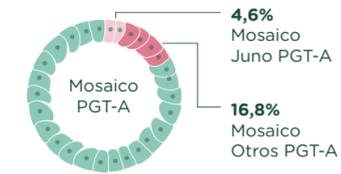
Juno estudia miles de lugares donde la secuencia de ADN puede diferir entre los cromosomas individuales, llamado *single nucleotide polymorphism* (SNP)

JUNO VS OTROS LABORATORIOS

Estudio de 25.007 embriones analizados

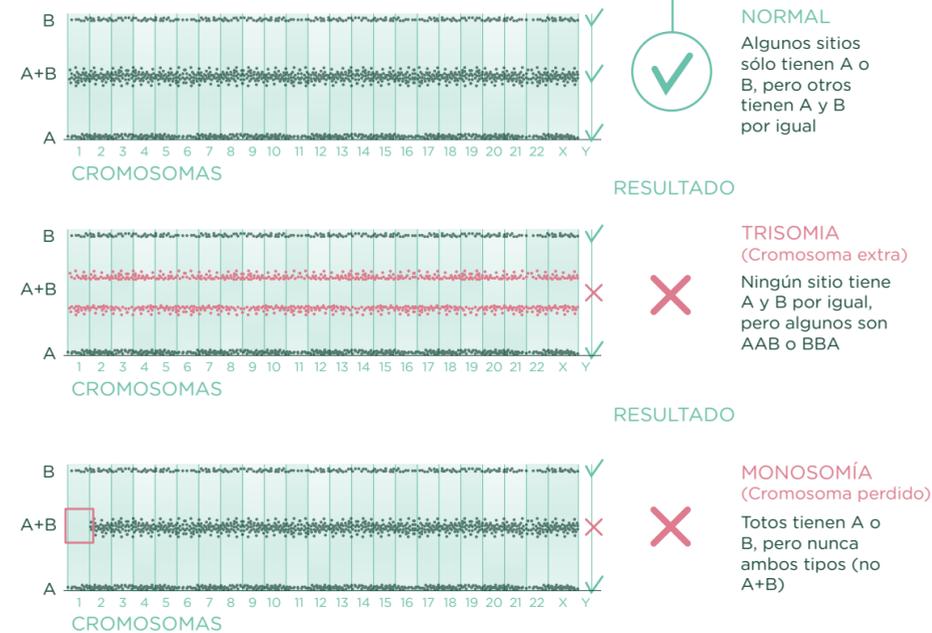


MENOS EMBRIONES CLASIFICADOS COMO MOSAICO



SNPs (El genotipo determinado para miles de polimorfismos de ADN)

Cada uno de estos sitios de variación puede ser del tipo «A» o del tipo «B». La normal, la trisomía y la monosomía tienen cada una patrones característicos de A y B



VENTAJAS DE USAR EL PGT[A]SEQ DE JUNO

- Un alto número de embriones euploides informados
- Mejores resultados clínicos
- La herramienta de selección de embriones más poderosa actualmente disponible
- Gran precisión, incluyendo la detección de embriones triploides
- Evita la transferencia infructuosa de embriones aneuploides no viables
- Permite la transferencia de un solo embrión de alta eficiencia (SET)
- Un embarazo más rápido
- Proporciona información sobre el potencial del material almacenado y evita el almacenamiento de embriones no viables hasta el embarazo
- Reducción de la tasa de abortos
- Reduce el riesgo de síndromes aneuploides
- Evita la designación incorrecta de "mosaico"
- El PGT[A] Seq de Juno se asocia con una mayor proporción de embriones categorizados como euploide